

PAR COURRIER ÉLECTRONIQUE

Québec, le 26 septembre 2022

Objet : Demande d'accès
N/Réf. : 1847 00/2020-2021.799
Réponse complémentaire

La présente fait suite à notre lettre du 16 avril 2021 en réponse à votre demande d'accès aux documents reçue au ministère de la Santé et des Services sociaux le 22 mars 2021 visant à obtenir une copie des documents que vous décriviez comme suit :

« [...] En lien avec les variants du Covid-19, obtenir les informations et documents suivants:

- 1) Svp fournir tous les documents expliquant de quelle façon la transposition de données se fait à partir du Trajectoire de Santé Publique ou de toute autre base de données (svp préciser lesquelles) aux chiffres qui apparaissent sur le page des variants de l'INSPQ:
<https://www.inspq.qc.ca/covid-19/donnees/variants>.
- 2) Svp fournir toutes les données brutes (anonymisées s'il y a lieu) que vous avez sur les variants.
- 3) Svp fournir le nombre de cas de variants confirmés ventilés par jour de test de Covid-19 positif et par variant.

À titre d'illustration: le 1er mars 2020, il y a eu 15 variants britanniques, 5 variants sud-africains et 0 variants brésiliens.

... 2

- 4) La page des variants de l'INSPQ fournit, en date d'aujourd'hui, le nombre total de cas confirmés et le nombre total de cas présumptifs. (a) Svp fournir le nombre total de cas présumptifs où le séquençage complet n'a pas confirmé la présence d'un variant. (b) Svp fournir le nombre de cas de variants présumptifs où le séquençage complet n'a pas confirmé la présence d'un variant, ventilés par jour de test de Covid-19 positif.
- 5) Svp fournir les nombres de tests de criblage TAAN négatifs dans le temps, ventilés par jour de test Covid-19 positif.
- 6) Svp fournir le nombre de cas de variants présumptifs où le séquençage n'a pas encore été complété, ventilés par jour de test de Covid-19 positif.

À la suite d'une nouvelle analyse de votre demande, vous trouverez ci-joint les informations recensées et répondant au libellé de votre requête :

En réponse au point 1) de votre demande, nous vous informons que la source des données provenant du site WEB mentionné est la *Base de données intégrées de génomique - Infocentre* (BDIG-Infocentre). Il n'existe pas de document explicatif. Au cours de l'évolution des variants, différents processus ont été utilisés afin de les catégoriser, notamment le criblage et le séquençage. Le criblage de certaines mutations associées à différents variants ainsi que l'identification de la lignée par séquençage ont pu être associés aux cas de TSP au fil du temps. À noter que les stratégies de criblage et séquençage ont également évolué et sont disponibles aux liens suivants : [Archives des données COVID-19 | INSPQ](#), [Données sur les variants du SRAS-CoV-2 au Québec | INSPQ](#)

Par ailleurs, vous trouverez ci-joint les documents répondant aux autres points de votre demande.

Veillez agréer l'expression de nos sentiments les meilleurs.

Le directeur par intérim,

Original signé par

Caroline Dumont pour
Robin Aubut-Fréchette